

Tab. A1: qRT-PCR-Messergebnisse der Mikrotiter Platte 1. Ziel steht für das Gen zu dem die verwendeten Primer jeweils spezifisch sind. Die cDNA-Proben sind jeweils nach dem Enzym bezeichnet, dessen kodierendes Gen nach VIGS in dem für die Probenisolation verwendeten Blattmaterial stillgelegt werden sollte (WRKY = WRKY Transkriptionsfaktor 32). Als Kontrollen wurde Probenmaterial aus Blättern nicht-infiltrierter Pflanzen isoliert. Als Negativkontrolle wurde eine cDNA-Synthese ohne Proto Script II Enzym Mix durchgeführt, sodass die verwendeten Proben nur RNA enthalten sollten. Es wurden jeweils drei biologische Replikate verwendet und von diesen drei technische Replikate gemessen.

Well	Ziel	Probe	Ct	Ct Mittelwert	Ct Standardabweichung
A01	Actin	Kontrolle 1	21,87	21,83	0,221
A02	Actin	Kontrolle 1	21,59	21,83	0,221
A03	Actin	Kontrolle 1	22,03	21,83	0,221
B01	Actin	Kontrolle 2	21,17	21,03	0,139
B02	Actin	Kontrolle 2	20,89	21,03	0,139
B03	Actin	Kontrolle 2	21,04	21,03	0,139
C01	Actin	Kontrolle 3	21,33	21,28	0,082
C02	Actin	Kontrolle 3	21,33	21,28	0,082
C03	Actin	Kontrolle 3	21,19	21,28	0,082
D04	Actin	HDR 1	21,27	21,07	0,209
D05	Actin	HDR 1	21,07	21,07	0,209
D06	Actin	HDR 1	20,86	21,07	0,209
E04	Actin	HDR 2	21,05	20,95	0,082
E05	Actin	HDR 2	20,91	20,95	0,082
E06	Actin	HDR 2	20,90	20,95	0,082
F04	Actin	HDR 3	21,21	21,11	0,119
F05	Actin	HDR 3	20,98	21,11	0,119
F06	Actin	HDR 3	21,14	21,11	0,119
H04	Actin	Negativkontrolle	21,36	21,33	0,039
H05	Actin	Negativkontrolle	21,29	21,33	0,039
H06	Actin	Negativkontrolle	21,35	21,33	0,039
A04	Actin	PDS 1	21,44	21,17	0,264
A05	Actin	PDS 1	20,91	21,17	0,264
A06	Actin	PDS 1	21,17	21,17	0,264
B04	Actin	PDS 2	21,21	21,25	0,054
B05	Actin	PDS 2	21,24	21,25	0,054
B06	Actin	PDS 2	21,31	21,25	0,054

C04	Actin	PDS 3	20,98	20,97	0,061
C05	Actin	PDS 3	21,02	20,97	0,061
C06	Actin	PDS 3	20,90	20,97	0,061
D01	Actin	WKRY 1	21,54	21,40	0,196
D02	Actin	WKRY 1		0,00	0,000
D03	Actin	WKRY 1	21,26	21,40	0,196
E01	Actin	WKRY 2	21,28	20,95	0,308
E02	Actin	WKRY 2	20,90	20,95	0,308
E03	Actin	WKRY 2	20,67	20,95	0,308
F01	Actin	WKRY 3	21,37	21,47	0,122
F02	Actin	WKRY 3	21,44	21,47	0,122
F03	Actin	WKRY 3	21,61	21,47	0,122
D07	HDR	Kontrolle 1	22,55	22,48	0,273
D08	HDR	Kontrolle 1	22,18	22,48	0,273
D09	HDR	Kontrolle 1	22,71	22,48	0,273
E07	HDR	Kontrolle 2	22,04	21,89	0,337
E08	HDR	Kontrolle 2	21,50	21,89	0,337
E09	HDR	Kontrolle 2	22,12	21,89	0,337
F07	HDR	Kontrolle 3	22,05	22,10	0,260
F08	HDR	Kontrolle 3	22,38	22,10	0,260
F09	HDR	Kontrolle 3	21,86	22,10	0,260
D10	HDR	HDR 1	19,12	23,39	3,720
D11	HDR	HDR 1	25,17	23,39	3,720
D12	HDR	HDR 1	25,90	23,39	3,720
E10	HDR	HDR 2	24,19	24,92	0,639
E11	HDR	HDR 2	25,28	24,92	0,639
E12	HDR	HDR 2	25,30	24,92	0,639
F10	HDR	HDR 3	21,04	21,32	2,871
F11	HDR	HDR 3	24,32	21,32	2,871
F12	HDR	HDR 3	18,60	21,32	2,871
B07	PDS	Kontrolle 2	22,67	22,67	0,336
B08	PDS	Kontrolle 2	22,33	22,67	0,336
B09	PDS	Kontrolle 2	23,00	22,67	0,336
C07	PDS	Kontrolle 3	22,76	22,56	0,784
C08	PDS	Kontrolle 3	21,70	22,56	0,784
C09	PDS	Kontrolle 3	23,23	22,56	0,784

A07	PDS	Kontrolle 1	22,81	22,81	0,156
A08	PDS	Kontrolle 1	22,66	22,81	0,156
A09	PDS	Kontrolle 1	22,97	22,81	0,156
A10	PDS	PDS 1	23,47	23,82	0,318
A11	PDS	PDS 1	23,93	23,82	0,318
A12	PDS	PDS 1	24,07	23,82	0,318
B10	PDS	PDS 2	23,69	23,97	0,251
B11	PDS	PDS 2	24,15	23,97	0,251
B12	PDS	PDS 2	24,08	23,97	0,251
C10	PDS	PDS 3	23,60	23,73	0,188
C11	PDS	PDS 3	23,95	23,73	0,188
C12	PDS	PDS 3	23,66	23,73	0,188
G01	WKRY	Kontrolle 1	30,43	30,47	0,106
G02	WKRY	Kontrolle 1	30,59	30,47	0,106
G03	WKRY	Kontrolle 1	30,39	30,47	0,106
H01	WKRY	Kontrolle 2	30,52	30,47	0,067
H02	WKRY	Kontrolle 2	30,50	30,47	0,067
H03	WKRY	Kontrolle 2	30,40	30,47	0,067
G04	WKRY	Kontrolle 3	29,51	29,59	0,070
G05	WKRY	Kontrolle 3	29,63	29,59	0,070
G06	WKRY	Kontrolle 3	29,63	29,59	0,070
H10	WKRY	Negativkontrolle	31,71	31,76	0,116
H11	WKRY	Negativkontrolle	31,68	31,76	0,116
H12	WKRY	Negativkontrolle	31,90	31,76	0,116
G07	WKRY	WKRY 1	28,97	28,89	0,108
G08	WKRY	WKRY 1	28,77	28,89	0,108
G09	WKRY	WKRY 1	28,94	28,89	0,108
H07	WKRY	WKRY 2	32,38	32,48	0,105
H08	WKRY	WKRY 2	32,46	32,48	0,105
H09	WKRY	WKRY 2	32,59	32,48	0,105
G10	WKRY	WKRY 3	31,85	32,00	0,543
G11	WKRY	WKRY 3	31,54	32,00	0,543
G12	WKRY	WKRY 3	32,60	32,00	0,543

Tab. A2: qRT-PCR-Messergebnisse der Mikrotiter Platte 2. Ziel steht für das Gen zu dem die verwendeten Primer jeweils spezifisch sind. Die cDNA-Proben sind jeweils nach dem Enzym bezeichnet, dessen kodierendes

Gen nach VIGS in dem für die Probenisolation verwendeten Blattmaterial stillgelegt werden sollte (WRKY = WRKY Transkriptionsfaktor 32). Als Kontrollen wurde Probenmaterial aus Blättern nicht-infiltrierter Pflanzen isoliert. Als Negativkontrolle wurde eine cDNA-Synthese ohne Proto Script II Enzyme Mix durchgeführt, sodass die verwendeten Proben nur RNA enthalten sollten. Es wurden jeweils drei biologische Replikate verwendet und von diesen drei technische Replikate gemessen.

Well	Ziel	Probe	Ct	Ct Mittelwert	Ct Standardabweichung
A01	Actin	Kontrolle 1	21,26	21,12	0,127
A02	Actin	Kontrolle 1	21,09	21,12	0,127
A03	Actin	Kontrolle 1	21,01	21,12	0,127
B01	Actin	Kontrolle 2	20,92	20,64	0,254
B02	Actin	Kontrolle 2	20,57	20,64	0,254
B03	Actin	Kontrolle 2	20,42	20,64	0,254
C01	Actin	Kontrolle 3	21,05	21,05	0,087
C02	Actin	Kontrolle 3	21,14	21,05	0,087
C03	Actin	Kontrolle 3	20,96	21,05	0,087
A04	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 1	20,41	20,43	0,023
A05	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 1	20,42	20,43	0,023
A06	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 1	20,45	20,43	0,023
B04	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 2	20,7	20,69	0,063
B05	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 2	20,62	20,69	0,063
B06	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 2	20,75	20,69	0,063
C04	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 3	20,77	20,9	0,14
C05	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 3	21,05	20,9	0,14
C06	Actin	(E)- β -Ocimen Synthase 3	20,87	20,9	0,14
D04	Actin	YFP 1	20,89	20,84	0,068
D05	Actin	YFP 1	20,76	20,84	0,068
D06	Actin	YFP 1	20,87	20,84	0,068
E04	Actin	YFP 2	20,77	20,96	0,162
E05	Actin	YFP 2	21,08	20,96	0,162
E06	Actin	YFP 2	21,01	20,96	0,162
F04	Actin	YFP 3	20,93	21,31	0,48
F05	Actin	YFP 3	21,85	21,31	0,48
F06	Actin	YFP 3	21,16	21,31	0,48
H04	HDR	Negativkontrolle	22,48	21,65	0,812
H05	HDR	Negativkontrolle	21,63	21,65	0,812
H06	HDR	Negativkontrolle	20,86	21,65	0,812
G01	PDS	Negativkontrolle	22,31	22,5	0,289
G02	PDS	Negativkontrolle	22,36	22,5	0,289

G03	PDS	Negativkontrolle	22,83	22,5	0,289
B07	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 2	N/A	0	0
B08	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 2	N/A	0	0
B09	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 2	37,01	37,01	0
C07	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 3	N/A	0	0
C08	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 3	33,51	33,8	0,401
C09	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 3	34,08	33,8	0,401
A07	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 1	37,88	37,15	1,037
A08	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 1	36,41	37,15	1,037
A09	(E)- β -Ocimen Synthase	Kontrolle 1	N/A	0	0
G04	(E)- β -Ocimen Synthase	Negativkontrolle	38,24	37,56	0,6
G05	(E)- β -Ocimen Synthase	Negativkontrolle	37,36	37,56	0,6
G06	(E)- β -Ocimen Synthase	Negativkontrolle	37,1	37,56	0,6
A10	(E)- β -Ocimen Synthase	TS 1	N/A	0	0
A11	(E)- β -Ocimen Synthase	TS 1	N/A	0	0
A12	(E)- β -Ocimen Synthase	TS 1	37,97	37,97	0
B10	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 2	36,14	36,34	0,272
B11	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 2	36,53	36,34	0,272
B12	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 2	N/A	0	0
C10	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 3	38,31	37,13	1,105
C11	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 3	36,12	37,13	1,105

	Synthase				
C12	(E)- β -Ocimen Synthase	(E)- β -Ocimen Synthase 3	36,96	37,13	1,105
D01	YFP	Kontrolle 1	28,65	28,66	0,114
D02	YFP	Kontrolle 1	28,78	28,66	0,114
D03	YFP	Kontrolle 1	28,55	28,66	0,114
E01	YFP	Kontrolle 2	28,35	28,28	0,072
E02	YFP	Kontrolle 2	28,21	28,28	0,072
E03	YFP	Kontrolle 2	28,29	28,28	0,072
F01	YFP	Kontrolle 3	28,33	28,43	0,092
F02	YFP	Kontrolle 3	28,45	28,43	0,092
F03	YFP	Kontrolle 3	28,51	28,43	0,092
H10	YFP	Negativkontrolle	28,58	29	0,513
H11	YFP	Negativkontrolle	28,83	29	0,513
H12	YFP	Negativkontrolle	29,57	29	0,513
D10	YFP	E)- β -Ocimen Synthase 1	27,74	27,97	0,252
D11	YFP	E)- β -Ocimen Synthase 1	27,93	27,97	0,252
D12	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 1	28,24	27,97	0,252
E10	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 2	33,12	30,13	2,595
E11	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 2	28,5	30,13	2,595
E12	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 2	28,76	30,13	2,595
F10	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 3	26,97	27,02	0,089
F11	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 3	26,97	27,02	0,089
F12	YFP	(E)- β -Ocimen Synthase 3	27,12	27,02	0,089
G07	YFP	WKRY 1	24,57	26,45	1,63
G08	YFP	WKRY 1	27,26	27,385	0,176
G09	YFP	WKRY 1	27,51	26,45	1,63
H07	YFP	WKRY 2	29,14	29,43	0,282
H08	YFP	WKRY 2	29,7	29,43	0,282
H09	YFP	WKRY 2	29,43	29,43	0,282
G10	YFP	WKRY 3	29,05	29,33	0,328
G11	YFP	WKRY 3	29,69	29,33	0,328
G12	YFP	WKRY 3	29,26	29,33	0,328
D07	YFP	YFP 1	25,51	25,38	0,12
D08	YFP	YFP 1	25,28	25,38	0,12
D09	YFP	YFP 1	25,35	25,38	0,12
E07	YFP	YFP 2	28,84	28,55	0,442
E08	YFP	YFP 2	28,77	28,55	0,442
E09	YFP	YFP 2	28,04	28,55	0,442
F07	YFP	YFP 3	27,32	27,25	0,194

F08	YFP	YFP 3	27,03	27,25	0,194
F09	YFP	YFP 3	27,4	27,25	0,194

Tab. A3: qRT-PCR-Messergebnisse der Mikrotiter Platte 3. Ziel steht für das Gen zu dem die verwendeten Primer jeweils spezifisch sind. Die cDNA-Proben sind jeweils nach dem Enzym bezeichnet, dessen kodierendes Gen nach VIGS in dem für die Probenisolation verwendeten Blattmaterial stillgelegt werden sollte (WRKY = WRKY Transkriptionsfaktor 32). Als Kontrollen wurde Probenmaterial aus Blättern nicht-infiltrierter Pflanzen isoliert. Als Negativkontrolle wurde eine cDNA-Synthese ohne Proto Script II Enzyme Mix durchgeführt, sodass die verwendeten Proben nur RNA enthalten sollten. Es wurden jeweils drei biologische Replikate verwendet und von diesen drei technische Replikate gemessen.

Well	Ziel	Probe	Ct	Ct Mittelwert	Ct Standardabweichung
F01	Actin	Kontrolle 1	19,61	19,59	0,326
F02	Actin	Kontrolle 1	19,9	19,59	0,326
F03	Actin	Kontrolle 1	19,25	19,59	0,326
G01	Actin	Kontrolle 2	19,18	19,17	0,245
G02	Actin	Kontrolle 2	18,92	19,17	0,245
G03	Actin	Kontrolle 2	19,41	19,17	0,245
H01	Actin	Kontrolle 3	19,63	19,51	0,192
H02	Actin	Kontrolle 3	19,29	19,51	0,192
H03	Actin	Kontrolle 3	19,61	19,51	0,192
H04	Actin	HDR 3	19,54	19,36	0,215
H05	Actin	HDR 3	19,12	19,36	0,215
H06	Actin	HDR 3	19,41	19,36	0,215
F04	Actin	HDR1	19,51	19,25	0,29
F05	Actin	HDR1	19,3	19,25	0,29
F06	Actin	HDR1	18,94	19,25	0,29
G04	Actin	HDR2	18,88	18,99	0,303
G05	Actin	HDR2	19,34	18,99	0,303
G06	Actin	HDR2	18,76	18,99	0,303
G07	HDR	Kontrolle 2	21,76	21	0,66
G08	HDR	Kontrolle 2	20,58	21	0,66
G09	HDR	Kontrolle 2	20,66	21	0,66
H07	HDR	Kontrolle 3	20,73	20,64	0,081
H08	HDR	Kontrolle 3	20,6	20,64	0,081
H09	HDR	Kontrolle 3	20,59	20,64	0,081
F07	HDR	Kontrolle 1	20,76	20,72	0,244
F08	HDR	Kontrolle 1	20,46	20,72	0,244

F09	HDR	Kontrolle 1	20,94	20,72	0,244
G10	HDR	HDR 2	24,25	24,54	0,273
G11	HDR	HDR 2	24,58	24,54	0,273
G12	HDR	HDR 2	24,8	24,54	0,273
H10	HDR	HDR 3	24,8	24,81	0,081
H11	HDR	HDR 3	24,9	24,81	0,081
H12	HDR	HDR 3	24,74	24,81	0,081
F10	HDR	HDR1	25,08	25,03	0,047
F11	HDR	HDR1	25,03	25,03	0,047
F12	HDR	HDR1	24,99	25,03	0,047